日本国特許庁 JAPAN PATENT OFFICE

別紙添付の書類に記載されている事項は下記の出願書類に記載されている事項と同一であることを証明する。

This is to certify that the annexed is a true copy of the following application as filed with this Office

出願年月日

Date of Application:

2002年 8月30日

出 願 番 号

Application Number:

特願2002-255626

[ST.10/C]:

[JP2002-255626]

出 願 人
Applicant(s):

ファイザー製薬株式会社

2003年 5月23日

特許庁長官 Commissioner, Japan Patent Office



【書類名】

特許願

【整理番号】

1024428

【提出日】

平成14年 8月30日

【あて先】

特許庁長官 太田 信一郎 殿

【国際特許分類】

C12Q 1/00

【発明の名称】

遺伝子多型を有する薬物代謝酵素チトクロムP450の

PM肝細胞を用いた、PMの薬物動態を予測するための

評価方法

【請求項の数】

6

【発明者】

【住所又は居所】

愛知県知多郡武豊町字五号地2番地 ファイザー製薬株

式会社 中央研究所内

【氏名】

嶋田 薫

【発明者】

【住所又は居所】

愛知県知多郡武豊町字五号地2番地 ファイザー製薬株

式会社 中央研究所内

【氏名】

高島 忠之

【特許出願人】

【識別番号】

000204343

【氏名又は名称】

ファイザー製薬株式会社

【代理人】

【識別番号】

100077517

【弁理士】

【氏名又は名称】 石田 敬

【電話番号】

03-5470-1900

【選任した代理人】

【識別番号】

100092624

【弁理士】

鶴田 準一 【氏名又は名称】

【選任した代理人】

【識別番号】 100108903

【弁理士】

【氏名又は名称】 中村 和広

【選任した代理人】

【識別番号】 100082898

【弁理士】

【氏名又は名称】 西山 雅也

【選任した代理人】

【識別番号】 100081330

【弁理士】

【氏名又は名称】 樋口 外治

【手数料の表示】

【予納台帳番号】 036135

【納付金額】 21,000円

【提出物件の目録】

【物件名】 明細書 1

【物件名】 図面 1

【物件名】 要約書 1

【プルーフの要否】 要

明細書 【書類名】

遺伝子多型を有する薬物代謝酵素チトクロムP450のPM肝 【発明の名称】 細胞を用いた、PMの薬物動態を予測するための評価方法

【特許請求の範囲】

遺伝子多型を有するチトクロムP450分子種のPMの肝細 【請求項1】 胞と被験化合物を培養液中で反応させることを含む、PMの薬物動態を予測する ための評価方法。

前記培養液を所定温度において、かつ、所定時間にわたり培 【請求項2】 養して反応を進行せしめ、速度論的な解析を行なうことを特徴とする、請求項1 に記載の方法。

前記チトクロムP450遺伝子多型が、CYP3A4、CY P3A5, CYP3A7, CYP2D6, CYP2C9, CYP2C19, CY 【請求項3】 P2A6、CYP1A1、CYP1A2、及びCYP2E1から成る群から選ば れる、請求項1に記載の方法。

【請求項4】 前記チトクロムP450遺伝子多型がCYP2D6、CYP 2C9、及びCYP2C19から成る群から選ばれる、請求項3に記載の方法。

【請求項5】 前記チトクロムP450遺伝子多型がCYP2D6である、 請求項3に記載の方法。

【請求項6】 請求項1に記載のPMの薬物動態を予測するための評価方法 に使用するための、遺伝子多型を有するチトクロムP450分子種のPMの肝細 胞、及び培養液を含むキット。

【発明の詳細な説明】

[0001]

【発明の属する技術分野】

本発明は、遺伝子多型を有するチトクロムP450分子種のPMの肝細胞を用 いた、PMの薬物動態を予測するための評価方法に関する。特に、本発明は、上 記遺伝子多型CYP2D6、CYP2C9又はCYP2C19を有するPMの肝 細胞を用いた、PMの薬物動態を予測するための評価方法及びそのためのキット に関する。

[0002]

臨床において、薬物相互作用が大きな問題となっているが、その原因の代表的 【従来の技術】 なものの一つに併用薬による薬物代謝酵素の阻害や誘導がある。これらの問題点 の有無を早期に把握し、危険を回避することは、医薬品の適正使用の観点から、 非常に重要である。

薬理活性とともに、薬物動態及び毒物学的特性は、臨床における医薬候補の成 功のために決定的な要因である。臨床試験に関連する多大な費用と時間がかかる ので、ヒトの薬理学的及び毒物学的特性が医薬開発の臨床試験前に決定されるこ とができれば理想的である。前臨床試験を、非ヒト実験動物を使用して行なうこ ともできるが、バイオトランスフォーメーションにおける種間差異に因り、実験 動物を使用して得られた結果が、生体異物の薬理学的及び毒物学的効果に関して 、ヒトにおける臨床試験結果を予測することができないことも多々ある。

生体異物のバイオトランスフォーメーションにおける種間差異の主な要因は、 薬剤代謝酵素、特に、チトクロムP450 (СҮР) 遺伝子多型を含むアイソフ オーム (isoform) における差異である。肝臓は薬物代謝のための主要な 臓器であるため、ヒト特異的薬物特性の評価のために、ヒト肝由来実験系が使用 されてきた。これらヒト肝由来実験系には、肝細胞及び肝臓スライスなどの細胞 を用いたもの、並びに無細胞の、例えば、ホモジネート、S9、ミクロソーム、 及びサイトゾル (cytosol) がある。

A. Guillouzo et al., Chemico-Biological Interactions 121 (1999) 7-16 中には、遊離肝細胞の長期間の保存のためには液体窒素中での冷凍保存が好まし いことなどが記載されている(非特許文献1参照。)。非特許文献1は、肝細胞 を用いてPMの薬物動態を評価することができることについて何ら記載していな 110

[0006]

A. P. Li et al., Chemico-Biological Interactions 121 (1999) 17-35中に は、速度論的な解析により凍結肝細胞と非凍結肝細胞の性質を比較したことなど が記載されている(非特許文献2参照。)。非特許文献2は、肝細胞を用いてP Mの薬物動態を評価することができることについて何ら記載していない。

A. P. Li et al., Chemico-Biological Interactions 121 (1999) 117-123中 [0007] には、肝細胞の有用性に関して記載されている(非特許文献3参照。)。非特許 文献3は、肝細胞を用いた試験に関して、代謝、毒性、薬物相互作用、酵素誘導 、サイトカインやホルモンの影響の評価などが挙げられているものの、肝細胞を 用いてPMの薬物動態を評価することができることについては、何ら記載してい ない。

Chladeck J. et al., Eur J Clin Pharmacol (2000) 56: 651-657中には、デ キストロメトルファン (DM) がチトクロムP450 2D6 (CYP2D6) のインビボにおける活性を評価するためのプローブとして広く使用されているこ と、健康な白人種における尿と血漿中でのDMからデキストロルファン(DEX) への代謝率 (Metabolic Ratio) の比較結果、が記載されている(非特許文献 4 参照。)。

以上、本願出願前には、PMの肝細胞を用いた、PMの薬物動態評価系は知ら れていない。

[0010]

【非特許文献1】

- A. Guillouzo et al., Chemico- Biological Interactions 121 (199
- 9) 7-16.

[0011]

【非特許文献2】

A. P. Li et al., Chemico-Biological Interactions 121 (1999) 1 7-35。

[0012]

【非特許文献3】

A. P. Li et al., Chemico-Biological Interactions 121 (1999) 11 7-123。

[0013]

【非特許文献4】

Chladeck J. et al., Eur J Clin Pharmacol (2000) 56: 651-657.

[0014]

【発明が解決しようとする課題】

PMのヒトの薬物動態を予め評価することができる簡便なインビトロの評価系 が望まれている。

[0015]

【課題を解決するための手段】

そこで、本発明者は、上記課題を解決すべく、ヒト遊離肝細胞を用いた代謝試 験に着手した。

薬物代謝酵素チトクロムP450には遺伝多型が知られているものがあり、臨 床において、代謝能の違いによる毒性や薬効の発現に大きなばらつきが発生する 原因のひとつとなっている。すなわち、遺伝多型が知られているチトクロムP4 50のうち、CYP2D6の遺伝子が欠損・変異した結果として活性が著しく低 NPM凍結ヒト遊離肝細胞を用い、PMの薬物動態(代謝)が予見できるかどう かを検討した。

上記の検討を重ねた結果、本発明者は、遺伝多型が知られている薬物代謝酵素 [0017] チトクロムP450のうち、CYP2D6のPMの凍結遊離肝細胞を用いること により、PMの体内薬物動態(代謝)が予見できることを発見し、本発明を完成 するに至った。

[0018]

すなわち、本発明の1の態様においては、遺伝子多型を有するチトクロムP4

50分子種のPMの肝細胞と被験化合物を培養液中で反応させることを含む、P Mの薬物動態を予測するための評価方法が、提供される。

[0019]

前記評価方法において、培養液を所定温度において、かつ、所定時間にわたり 培養して反応を進行せしめ、速度論的な解析を行なうことができる。

[0020]

前記チトクロムP450遺伝子多型は、CYP3A4、CYP3A5、CYP 3A7, CYP2D6, CYP2C9, CYP2C19, CYP2A6, CYP 1A1、CYP1A2、及びCYP2E1から成る群から選ばれることができる 。好ましくは、前記チトクロムP450遺伝子多型はCYP2D6、CYP2C 9、及びCYP2C19から成る群から選ばれる。前記チトクロムP450遺伝 子多型がCYP2D6であることもできる。

[0021]

前記ヒトPMの肝細胞は、特に限定されるものではなく接着肝細胞を用いるこ とができる。

[0022]

反応温度は、特に限定されるものではないが、好ましくは体温付近の36.5 ~37.5℃である。

[0023]

反応時間は、特に限定されるものではなく、被験化合物によって異なってもよ い。好ましくは、4時間以内であり、より好ましくは、2時間以内である。所望 する時間ごと(例えば、0分、0.5時間、1時間、2時間)にサンプリングし て、反応を停止してもよい。

[0024]

培養液は、クレブスヘンセレイト緩衝液 (Krebs Henseleit b u f f e r) など一般的に用いられているものでもよいし、何か適当な担体を 加えたものでもよい。すなわち、酵素活性に影響のでないものであればどのよう なものでも培養液として用いることができる。

[0025]

本発明の他の態様においては、前記PMの薬物動態を予測するための評価方法 に使用するための、チトクロムP450遺伝子多型を有するPMの肝細胞、及び 培養液を含むキットが、提供される。

[0026]

本明細書中に使用するとき、用語「チトクロムP450分子種のPM(Poo r Metabolizer)とは、遺伝子の変異、欠損又は発現の調節などに より、ある特定のチトクロムP450分子種の酵素活性が通常のヒトよりも低い ヒトをいう。現在、遺伝子多型として、CYP3A4、CYP3A5、CYP3 A7, CYP2D6, CYP2C9, CYP2C19, CYP2A6, CYP1 A1、CYP1A2、CYP2E1などが知られているが、将来新たな遺伝子多 型を有するチトクロムが発見される可能性があり、その場合も、本発明の方法で 各遺伝子多型のPMの体内薬物動態を予測できる。

[0027]

本明細書中に使用するとき、「速度論的な解析」とは、被験化合物の消失速度 、代謝物の生成速度などを数学的・統計的な手法により解析することをいう。

[0028]

以下の実施例中に例示するように、本発明においては、遺伝多型が知られてい る薬物代謝酵素チトクロムP450のうち、CYP2D6のPM凍結ヒト遊離肝 細胞を用い、PMの薬物動態(代謝)が予見できるかどうかを、CYP2D6の 基質であるデキストロメトルファン (DM) をプローブとして検討した。

[0029]

デキストロメトルファン (DM) の主な代謝経路を図1に示す。デキストロメ トルファン(DM)の代謝は、臨床においては、N-脱メチル化、O-脱メチル 化とそれに続くグルクロン酸抱合が進行することが知られている。CYP3A4 は、N-脱メチル化反応を、そしてCYP2D6はO-脱メチル化反応を触媒す る。通常の代謝能を有するCYP2D6のEM(Extensive Meta bolizer)においては、CYP2D6によるO-脱メチル化が主に進行し 、CYP3A4によるN-脱メチル化は主たる代謝経路ではない。一方、CYP 2D6のPMにおいては、CYP2D6の代謝能が十分でないために、O-脱メ チル化の補償的代謝経路としてN-脱メチル化が主に進行することが知られてい る(例えば、非特許文献4参照)。本発明に係る評価系においても、臨床結果と 同様の補償的代謝反応が観察された。したがって、チトクロムP450分子種の PMの肝細胞を用いて、上記分子種と被験化合物を培養液中で反応させれば、上 記各チトクロムP450分子種のPMの体内薬物動態を予測できる。

[0030]

上述のように、PM肝細胞を用いた評価系は従来知られていない。したがって 、本発明に係るヒトPMの肝細胞を用いた代謝評価試験は、臨床試験前にPMの ヒトの薬物動態(代謝パターン)を把握できることから、臨床試験の予見性を高 めるために極めて有用で応用性の広い評価法であるといえる。

[0031]

薬物代謝酵素チトクロムP450には、CYP2D6以外にもいくつかの遺伝 子多型、CYP3A4、CYP3A5、CYP3A7、CYP2C9、CYP2 C19、CYP2A6、CYP1A1、CYP1A2、CYP2E1などが知ら れているが、これら遺伝子多型のPM肝細胞もCYP2D6のものと同様に、本 発明に係る評価系において使用することができる。

[0032]

以下の実施例においては、CYP2D6のPMの肝細胞を用いたが、CYP2 D6以外の分子種の、PMの体内薬物動態の評価系として以下のものを挙げるこ とができる。

[0033]

CYP2C19の被験化合物として、例えば、S-メフェニトイン (S-me phenytoin) やオメプラゾール (omeprazole) を選び、CY P2C19のPMの凍結ヒト肝細胞を用いて、以下の実施例と同様の方法により 、本発明に係る評価方法を実施することができる。未変化体及び代謝物の測定に は、既知の方法を用いることができる。CYP2C19のPMの凍結ヒト肝細胞 として、米国In Vitro Technologies (IVT) 社で調製 されたロットHH-092、HH-016、HH-023などを用いることがで きる。

[0034]

CYP1A2の被験化合物として、例えば、エトキシレゾルフィン(etho xyresorufin) やカフェイン (caffeine) を選び、CYP1 A2のPMの凍結ヒト肝細胞を用いて、以下の実施例と同様の方法により、本発 明に係る評価方法を実施することができる。未変化体及び代謝物の測定には、既 知の方法を用いることができる。

[0035]

CYP2C9の被験化合物として、例えば、フェニトイン (phenytoi n)、トルブタミド(tolubutamide)、イブプロフェン(ibup rofen)、ジクロフェナック (diclofenac)、ワルファリン (w arfarin)、ナプロキセン (naproxen) を選び、CYP2C9の PMの凍結ヒト肝細胞を用いて、以下の実施例と同様の方法により、本発明に係 る評価方法を実施することができる。未変化体及び代謝物の測定には、既知の方 法を用いることができる。CYP2C9のPMの凍結ヒト肝細胞として、米国I n Vitro Technologies (IVT) 社で調製されたロットH H-046、HH-056、HH-074などを用いることができる。

[0036]

CYP2A6の被験化合物として、例えば、クマリン (coumarin)、 ニコチン (nicotine) を選び、CYP2A6のPMの凍結ヒト肝細胞を 用いて、以下の実施例と同様の方法により、本発明に係る評価方法を実施するこ とができる。未変化体及び代謝物の測定には、既知の方法を用いることができる

[0037]

CYP2E1の被験化合物として、例えば、クロロゾキサゾン (chlorz oxazone)、アセタミノフェン (acetaminophen)を選び、 CYP2E1のPMの凍結ヒト肝細胞を用いて、以下の実施例と同様の方法によ り、本発明に係る評価方法を実施することができる。未変化体及び代謝物の測定 には、既知の方法を用いることができる。

[0038]

CYP3Aの被験化合物として、例えば、ミダゾラム(midazolam)、ニフェジピン(nifedipine)、テストステロン(testosterone)を選び、CYP3AのPMの凍結ヒト肝細胞を用いて、以下の実施例と同様の方法により、本発明に係る評価方法を実施することができる。未変化体及び代謝物の測定には、既知の方法を用いることができる。

[0039]

以下の実施例及び添付図面により、本発明を詳細に説明するが、これらにより、本発明の範囲が限定されるものと解釈されるべきではない。

[0040]

【実施例】

実施例1:試験方法

CYP2D6の基質として、デキストロメトルファン(DM:dextromethorphan、鎮痛薬)を選び、代謝反応を評価するための予備検討を行った。デキストロメトルファン(DM)の主な代謝経路を図1に示す。DMの代謝は、臨床においては、Nー脱メチル化、Oー脱メチル化とそれに続くグルクロン酸抱合が進行することが知られている。CYP3A4はNー脱メチル化、CYP2D6はOー脱メチル化反応を触媒する。CYP2D6のPMにおいては、Oー脱メチル化の補償的代謝経路としてNー脱メチル化が進行することが知られている。本実施例においては、CYP2D6のヒトPMの遊離肝細胞を用い、デキストロメトルファンについての代謝反応を検討し、PMのヒトの体内薬理動態が予測できるかどうかを考察した。

[0041]

使用したCYP2D6のPMの凍結遊離ヒト肝細胞(ロット64)及びEM(Extensive Metabolizer)の凍結ヒト遊離肝細胞(ロット70)は、米国In Vitro Technologies(IVT)社で調製されたものであった。EMの凍結ヒト遊離肝細胞としては、CYP3A4の活性がPMの凍結ヒト遊離肝細胞ロット64と同程度のものを、IVT社が提供しているデータを参考にして選択した。入手した細胞は、両ロットともに1バイアルあたり、 6×10^6 細胞であった。

[0042]

インキュベーション培地は、Krebs Henseleitバッファー((塩化カルシウム2水和物(0.373g/L)、重炭酸ナトリウム(2.1g/ L)、HEPES(1.5g/L)を添加後、pH7.4に調製)を用いた。凍 結ヒト遊離肝細胞は、96ウェル・プレートに蒔き、培養液に浮遊させた状態で 試験に供した。CYP2D6の基質であるデキストロメトルファン(DM)を最 終濃度 0. 08、0. 4、2、10、及び50 μMとなるように加え、37℃で 反応させた。1時間及び2時間後の反応液をサンプリングし、親化合物 (DM) の他、デキストロルファン (DEX:主にCYP2D6による代謝産物)、3-メトキシモルフィナン (3-MM:主にСҮРЗА4による代謝産物)をそれぞ れ定量した。また、抱合体 (Glucuronide) の定量に関しては、採取 した反応液にβ-グルクロニダーゼ/アリルサルファターゼを添加することで、 加水分解して得られたDEXを定量し、加水分解前のDEXとの差を抱合体の量 とした。培養液中の未変化体及び代謝物の測定には、LC/MS/MSを用いた

[0043]

EM遊離肝細胞とPM遊離肝細胞それぞれのCYP3A4活性は、DMと同じ 基質タイプに属すると考えられているミダゾラム (MDZ:midazolam) の4-水酸化活性を指標として比較した。CYP3A4に対する代謝試験の方 法は、MDZを上記の方法に準じてインキュベーションし、4-ヒドロキシミダ ゾラム (4-OH MDZ) を定量することにより行なった。4-OH MDZ の定量には、上記と同様LC/MS/MSを用いた。

[0044]

なお、LC/MS/MSの測定条件は以下である。HPLC:Waters 2790、MS:API365 Sciex、カラム:YMC J'spher ODS L80 2×35mm、グラジエント:移動相A[CH₃CN:1 0 mM CH₃CO₂NH₄水溶液=10:90]、移動相B [CH₃CN:10 m M CH₃CO₂NH₄水溶液=80:20]、条件[移動相の流量0.35ml/ 分、サンプル導入後1分でA:B=100:0からA:B=0:100まで移動

相の組成を変化させ、その後、A:B=0:100の組成で1分間流す。] M S/MSの検出: DM=272. 3/170. 9、DEX=258. 2/157 . 1, 3-MM=258. 2/215. 0, MDZ=326. 1/291. 1, $4 - OH \quad MDZ = 342.1/324.1.$

[0045]

実施例2:PM遊離ヒト肝細胞ロット64とEM遊離ヒト肝細胞ロット70に おけるデキストロメトルファン (DM) 濃度とデキストロルファン (DEX) 生成 速度(pmo1/分/10⁶細胞)の関係

デキストロメトルファン (DM) 濃度とデキストロルファン (DEX) 生成速 度(pmol/分/10⁶細胞)の関係を図2に示す。図2に示す生成速度は、 1時間の生成量より算出した値により求めた。

[0046]

DMのCYP2D6に対するKm(約2μM)付近の濃度までは、PM肝細胞 において代謝物であるDEXは検出されなかった。図1に示すように、DEXは DMからO-脱メチル化が進行して生成するが、この経路はCYP2D6により 触媒される。したがってCYP2D6が欠損しているPMの肝細胞においては、 この代謝経路の反応が起こらなかったと解せる。実際、臨床用量(20mg/個 体程度)におけるDM血中濃度付近($\sim 1~\mu\,\mathrm{M}$)においても、PMではDEXの 生成は僅かであった。濃度を $10\,\mu\,\mathrm{M}$ 、 $5\,0\,\mu\,\mathrm{M}$ と高めていくと、 $P\,\mathrm{M}$ 肝細胞でも DEXの生成が観測された。また、EMの肝細胞では、濃度依存的に代謝物DE Xの生成速度が上昇した。

[0047]

実施例3:PM遊離ヒト肝細胞ロット64とEM遊離ヒト肝細胞ロット70に おけるデキストロメトルファン (DM) 濃度と3-メトキシモルヒナン (3-M M) 生成速度(p m o 1 / 分/10⁶細胞)の関係

CYP3A4が触媒するN-脱メチル化により生成する3-メトキシモルヒナ ン (3-MM) 生成速度とデキストロメトルファン (DM) 濃度の関係を図3に 示す。EM肝細胞においては、3-MMの生成速度は、図2に示すDEX生成速 度に比べ10分の1以下であり、ヒトの臨床結果と一致していた。一方、PM肝 細胞においては、3-MMの生成速度は、図2に示すDEX生成速度に匹敵していた。これは、CYP2D6のPMでは、O-脱メチル化反応が抑えられた結果、その補償的代謝経路としてN-脱メチル化が進行することを裏付けるものである。

[0048]

実施例4: PM遊離ヒト肝細胞ロット64とEM遊離ヒト肝細胞ロット70におけるデキストロメトルファン (DM) 濃度とデキストロルファン抱合体 (DE X-glucuronide) 生成速度 (pmol/分/10⁶細胞) の関係デキストルファン抱合体の定量結果を図4に示す。 PM遊離ヒト肝細胞ロット64とEM遊離ヒト肝細胞ロット70の両者においてグルクロン酸抱合反応が進行することが明らかとなった。

[0049]

実施例5: PM遊離ヒト肝細胞ロット64とEM遊離ヒト肝細胞ロット70に おけるCYP3A4活性の比較

上述のようにEM遊離肝細胞とPM遊離肝細胞それぞれのCYP3A4活性を、DMと同じ基質タイプに属すると考えられているミダゾラム(MDZ:midazolam)の4-水酸化活性を指標として比較した。MDZを、DMに関して用いた方法に準じてインキュベーションし、4-ヒドロキシミダゾラム(4-OH MDZ)生成速度は、EM遊離肝細胞とPM遊離肝細胞において、それぞれ、26.6と18.2(pmo1/分/10⁶細胞)であった。両肝細胞の活性値(生成速度)は3割程度の差であり、上記の値を用いて、EM、PMそれぞれの代謝結果を補正しても、実施例2~4に記載した代謝の挙動に関する上記考察に影響を与えるものではないことが確認された。

[0050]

【発明の効果】

以上、実施例2及び実施例3において述べたように、DMの2種の代謝産物3-MMとDEXの生成速度を測定した結果、両代謝物の比(3-MM/DEX)は、EM-PM間で大きな差が見られた。すなわち、CYP2D6 PM肝細胞においては、臨床結果と同様O-脱メチル化の補償的代謝が働き、3-MMの生

成速度がEMに比べて大きくなっていた。また、DEXのグルクロン酸抱合体も 観察された。これらの事実は、定性的にヒトの臨床結果とよく一致している。し たがって、CYP2D6のヒトPMの遊離肝細胞を用いることにより、PMのヒ トの体内薬物動態が予測できることが分かる。代謝が明らかでない被験物質の評 価においては実施例と同様の実験条件において、速度論的な解析(例えば、被験 物質の消失速度を算出すること)により、PMの体内薬物動態の予測が可能とな る。

【図面の簡単な説明】

【図1】

デキストロメトルファン (DM) の代謝経路を示す概略図である。

PM遊離ヒト肝細胞とEM遊離ヒト肝細胞におけるデキストロメトルファン(DM) 濃度とデキストロルファン (DEX) 生成速度 (pmo1/分/10⁶細 胞)の関係を表すグラフである。

PM遊離ヒト肝細胞とEM遊離ヒト肝細胞におけるデキストロメトルファン(DM) 濃度と3-メトキシモルヒナン (3-MM) 生成速度 (pmo1/分/1 0^6 細胞)の関係を表すグラフである。

PM遊離ヒト肝細胞とEM遊離ヒト肝細胞におけるデキストロメトルファン(【図4】 DM) 濃度とデキストロルファン抱合体 (DEX-glucuronide) 生 成速度($pmo1/分/10^6$ 細胞)の関係を表すグラフである。

【書類名】

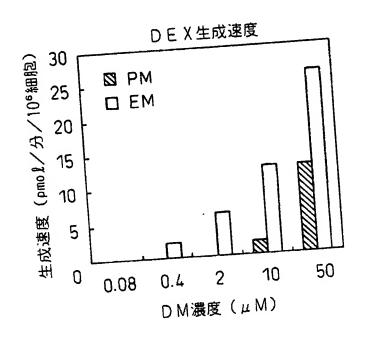
図面

【図1】

図 1

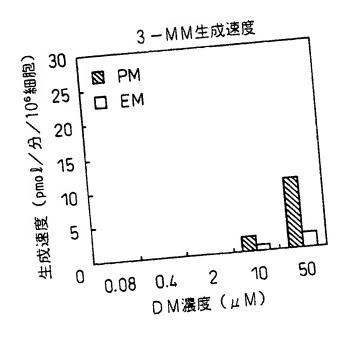
【図2】

図 2
PM肝細胞及びEM肝細胞におけるデキストロメトルファン(DM) 濃度とデキストロルファン(DEX) 生成速度の関係



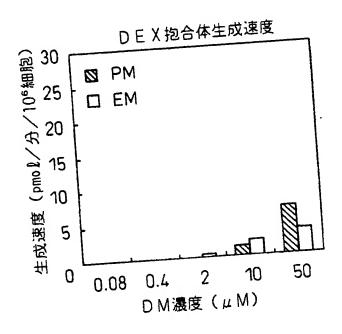
[図3]

図 3 PM肝細胞及びEM肝細胞におけるデキストロメトルファン (DM) 濃度と3-メトキシモルヒナン(3-MM) 生成速度の関係



【図4】

図 4 PM肝細胞及びEM肝細胞におけるテキストロメトルファン (DM) 濃度とテキストロルファン抱合体 (DEX glucuronide) 生成速度の関係



要約書 【書類名】

【要約】

【課題】 遺伝子多型を有する薬物代謝酵素チトクロムP450のPMの肝細胞 を用いた、PMの体内薬物動態を予測するための新規評価方法の提供。

【解決手段】 遺伝多型が知られている薬物代謝酵素チトクロムP450のうち 、CYP2D6のPMの肝細胞を用いることにより、PMの体内薬物動態(代謝)が予測できる。

【選択図】 なし

出願人履歴情報

識別番号

[000204343]

1990年 8月10日 1. 変更年月日

新規登録 [変更理由]

東京都新宿区西新宿2丁目1番1号 住 所

ファイザー製薬株式会社 氏 名